

**Certificat d'Analyse(s)**

<b>Propriétaire :</b> ROUCOU Nathalie	<b>ROUCOU Nathalie</b>
<b>Elevage :</b> 27223	<b>8 rue des champs</b>
<b>Demandeur :</b> ROUCOU Nathalie	<b>59132 TRELON</b>
<b>Organisation :</b>	
<b>Préleveur :</b> GRANDJEAN Philippe (36416)	
<b>Référence :</b> EXT20222931	

<b>Date de prélèvement :</b> 29/08/2022	<b>Date de réception :</b> 08/09/2022
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette)
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> MCO - Maine Coon
<b>Date de naissance :</b> 08/06/21	<b>Sexe :</b> Femelle

**Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)**

**Date d'exécution : 15/09/2022**

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC59517 Nom : SHARLIE ROSE COON DE LA LAF Puce : 250269590408104		NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.*

*Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

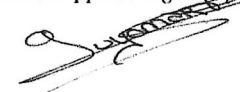
*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 15/09/2022**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

---

Propriétaire : ROUCOU Nathalie	ROUCOU Nathalie
Elevage : 27223	8 rue des champs
Demandeur : ROUCOU Nathalie	59132 TRELON
Organisation :	
Préleveur : GRANDJEAN Philippe (36416)	
Référence : EXT20222931	

---

Date de prélèvement : 29/08/2022	Date de réception : 08/09/2022
Nombre de prélèvements : 1	Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT	Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 08/06/21	Sexe : Femelle

---

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 15/09/2022

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC59517 Nom : SHARLIE ROSE COON DE LA LAF Puce : 250269590408104		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.  
Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.  
Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

*NORMAL (+/+)* : animal homozygote normal, non porteur de la mutation  
*PORTEUR (+/-)* : animal hétérozygote porteur de la mutation  
*ATTEINT (-/-)* : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 15/09/2022

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : ROUCOU Nathalie  
Elevage : 27223  
Demandeur : ROUCOU Nathalie  
Organisation :  
Préleveur : GRANDJEAN Philippe (36416)  
Référence : EXT20222931

ROUCOU Nathalie  
8 rue des champs  
59132 TRELON

Date de prélèvement : 29/08/2022

Date de réception : 08/09/2022

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 08/06/21

Sexe : Femelle

## Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 15/09/2022

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC59517 Nom : SHARLIE ROSE COON DE LA LAF Puce : 250269590408104		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6)" présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive : Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

**NORMAL (+/+)** : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

**PORTEUR (+/-)** : animal hétérozygote porteur de la mutation

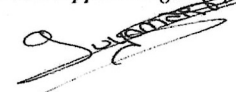
**ATTEINT (-/-)** : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 15/09/2022

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** ROUCOU Nathalie  
**Elevage :** 27223  
**Demandeur :** ROUCOU Nathalie  
**Organisation :**  
**Préleveur :** GRANDJEAN Philippe (36416)  
**Référence :** EXT20222931

**ROUCOU Nathalie**  
8 rue des champs  
59132 TRELON

**Date de prélèvement :** 29/08/2022

**Date de réception :** 08/09/2022

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 08/06/21

**Sexe :** Femelle

### GS ADN

**Date d'exécution :** 15/09/2022

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC59517 Nom : SHARLIE ROSE COON DE LA LAF Puce : 250269590408104		nonb/nonb

*GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN*

*Résultat nonb/nonb<sup>o</sup> : aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b<sup>o</sup> : 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b<sup>o</sup> : 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 15/09/2022**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique

