

Certificat d'Analyse(s)

*Annule et remplace Dossier
210303001203 01 du 15/03/2021*

Propriétaire : SANCHEZ FENECH Stéphanie
Elevage : 26302
Demandeur : SANCHEZ FENECH Stéphanie
Organisation : PRO
Préleveur : BECUWE Nadine (14351)

SANCHEZ FENECH Stéphanie
43 Rue de la Libération
45130 CHARSONVILLE

Date de prélèvement : 22/12/2020

Date de réception : 03/03/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 31/07/2020

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2020.43026

Identification génétique par ADN

Date d'exécution : 12/03/2021

Identification : R LIONNE DU MONT D EVEN/250269608594981 - Code ADN : FC41324									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
146/152	107/107	136/136	175/199	128/130	151/151	214/#	168/168	179/189	126/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
151/159	188/188	126/126	190/190	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

Carte d'identité génétique / Genetic identity card

PHOTO



Genindexe
La génétique à votre service

Code ADN : FC41324

Nom : R LIONNE DU MONT D EVEN

Identification : 250269608594981

Race : MCO:Maine Coon

Sexe : Femelle


Date de naissance : 31/07/2020

FCA026	146/152	FCA069	107/107	FCA075	136/136	FCA105	175/199
FCA149	128/130	FCA201	151/151	FCA220	214/#	FCA229	168/168
FCA293	179/189	FCA310	126/136	FCA441	151/159	FCA453	188/188
FCA649	126/126	FCA678	190/190	ZSRY	X/X		

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-
date:17/04/2013 - I.R.:01
Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 25/06/2021

Anne-Sophie Guyomard
Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

*Annule et remplace Dossier
210303001203 02 du 12/03/2021*

Propriétaire : SANCHEZ FENECH Stéphanie
Elevage : 26302
Demandeur : SANCHEZ FENECH Stéphanie
Organisation : PRO
Préleveur : BECUWE Nadine (14351)

SANCHEZ FENECH Stéphanie
43 Rue de la Libération
45130 CHARSONVILLE

Date de prélèvement : 22/12/2020

Date de réception : 03/03/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 31/07/2020

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2020.43026

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 09/03/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC41324 Nom : R LIONNE DU MONT D EVEN Puce : 250269608594981	LOOF 2020.43026	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 25/06/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

*Annule et remplace Dossier
210303001203 02 du 12/03/2021*

Date de prélèvement : 22/12/2020

Date de réception : 03/03/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 31/07/2020

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2020.43026

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 09/03/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC41324 Nom : R LIONNE DU MONT D EVEN Puce : 250269608594981	LOOF 2020.43026	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 25/06/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

*Annule et remplace Dossier
210303001203 02 du 12/03/2021*

Date de prélèvement : 22/12/2020

Date de réception : 03/03/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 31/07/2020

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2020.43026

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 09/03/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC41324 Nom : R LIONNE DU MONT D EVEN Puce : 250269608594981	LOOF 2020.43026	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 25/06/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

*Annule et remplace Dossier
210303001203 02 du 12/03/2021*

Date de prélèvement : 22/12/2020

Date de réception : 03/03/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 31/07/2020

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2020.43026

GS ADN

Date d'exécution : 09/03/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC41324 Nom : R LIONNE DU MONT D EVEN Puce : 250269608594981	LOOF 2020.43026	nonb/b

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN

Résultat nonb/nonb : aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectées, groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 25/06/2021

Anne-Sophie Guyomard
Chargée de développement génétique et génomique

