

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/06/2020

**Sexe :** Mâle

**Remarques :** LOOF2021CE 424

## Identification génétique par ADN


**Date d'exécution :** 29/06/2021

Identification : FLUFFYTAILS VILYAM/900215000120150 - Code ADN : FC45023									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
152/152	107/107	136/136	199/203	122/124	151/155	214/214	168/168	179/179	126/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
155/163	188/196	126/130	190/190	X/Y					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

**Carte d'identité génétique / Genetic identity card**

PHOTO



**Genindexe**  
La génétique à votre service

**Code ADN :** FC45023

**Nom :** FLUFFYTAILS VILYAM

**Identification :** 900215000120150

**Race :** MCO:Maine Coon

**Sexe :** Mâle

**Date de naissance :** 30/06/2020

FCA026	152/152	FCA069	107/107	FCA075	136/136	FCA105	199/203
FCA149	122/124	FCA201	151/155	FCA220	214/214	FCA229	168/168
FCA293	179/179	FCA310	126/136	FCA441	155/163	FCA453	188/196
FCA649	126/130	FCA678	190/190	ZSRY	X/Y		

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-  
date:17/04/2013 - I.R.:01

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 08/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/06/2020

**Sexe :** Mâle

**Remarques :** LOOF2021CE 424

### Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45023 Nom : FLUFFYTAILS VILYAM Puce : 900215000120150	LOOF2021CE 424	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.*

*Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/06/2020

**Sexe :** Mâle

**Remarques :** LOOF2021CE 424

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45023 Nom : FLUFFYTAILS VILYAM Puce : 900215000120150	LOOF2021CE 424	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/06/2020

**Sexe :** Mâle

**Remarques :** LOOF2021CE 424

## Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45023 Nom : FLUFFYTAILS VILYAM Puce : 900215000120150	LOOF2021CE 424	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie

**Elevage :** 26302

**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie

**Organisation :** PRO

**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**

43 Rue de la Libération

45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/06/2020

**Sexe :** Mâle

**Remarques :** LOOF2021CE 424

### GS ADN

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45023 Nom : FLUFFYTAILS VILYAM Puce : 900215000120150	LOOF2021CE 424	nonb/nonb

*GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN*

*Résultat nonb/nonb : aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectées, groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/06/2020

**Sexe :** Mâle

**Remarques :** LOOF2021CE 424

### Colortest - Locus A - Agouti

**Date d'exécution :** 03/05/2022

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45023 Nom : FLUFFYTAILS VILYAM Puce : 900215000120150	LOOF2021CE 424	a/a : Homozygote non-agouti, non porteur d'Agouti - Robe non rayée

Ce test est basé sur l'étude du variant c.123delCA présent sur le gène ASIP (agouti signaling protein) influençant la pigmentation de la robe des chats. Le locus A peut présenter 2 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : allèle A > allèle a (variant c.123delCT). La transmission de cette mutation se produit de manière autosomique récessive.

Légende :

A/A : Chat Agouti, porteur de 2 allèles "agouti". L'animal aura 100% de chance de transmettre l'allèle A à sa descendance // A/a : Chat Agouti, mais porteur d'un allèle "non-agouti". L'animal aura 50% de chance de transmettre l'un ou l'autre des allèles à sa descendance // a/a : Chat non-agouti (poils unis), porteur de 2 allèles "non-agouti". L'animal aura 100% de chance de transmettre l'allèle "non-agouti" à sa descendance.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 03/05/2022**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 1

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/06/2020

**Sexe :** Mâle

**Remarques :** LOOF2021CE 424

### Colortest - Locus D - Dilution

**Date d'exécution :** 03/05/2022

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45023 Nom : FLUFFYTAILS VILYAM Puce : 900215000120150	LOOF2021CE 424	D/D : Non porteur de dilution

Ce test est basé sur l'étude du variant c.83delT présent sur le gène MLPH (mélanophiline) influençant la couleur de la robe des chats. Le locus D peut présenter 2 allèles différents avec la dominance hiérarchique suivante : allèle D > allèle d (variant c.83delT). La transmission de cette mutation se produit de manière autosomique récessive.

Légende :

D/D : Chat non dilué, et non porteur de dilution // D/d : Chat non dilué, mais porteur d'un allèle dilution . L'animal aura 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à ses descendants // d/d : Chat dilué, porteur de 2 allèles dilution . L'animal aura 100% de chance de transmettre héréditairement la mutation à ses descendants.

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 03/05/2022**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique

