

## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 12/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 9650

## Identification génétique par ADN


**Date d'exécution :** 29/06/2021

Identification : R MYONN/250268600347492 - Code ADN : FC45026									
FCA026	FCA069	FCA075	FCA105	FCA149	FCA201	FCA220	FCA229	FCA293	FCA310
150/150	107/107	136/136	199/199	124/130	155/157	212/214	168/168	187/187	136/136
FCA441	FCA453	FCA649	FCA678	ZSRY					
155/159	188/188	126/140	190/202	X/X					

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2006 v2.1. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.

**Carte d'identité génétique / Genetic identity card**

PHOTO



**Genindexe**  
La génétique à votre service

**Code ADN :** FC45026

**Nom :** R MYONN

**Identification :** 250268600347492

**Race :** MCO:Maine Coon

**Sexe :** Femelle

**Date de naissance :** 12/12/2020

FCA026	150/150	FCA069	107/107	FCA075	136/136	FCA105	199/199
FCA149	124/130	FCA201	155/157	FCA220	212/214	FCA229	168/168
FCA293	187/187	FCA310	136/136	FCA441	155/159	FCA453	188/188
FCA649	126/140	FCA678	190/202	ZSRY	X/X		

Certificat d'analyse d'identification génétique- ANAACR 01 EN 02-  
date:17/04/2013 - I.R.:01

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.

La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 08/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 12/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 9650

### Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
4 Code ADN : FC45026 Nom : R MYONN Puce : 250268600347492	LOOF2021 9650	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation c.693+304G>A présente sur le gène PKLR est recherchée.*

*Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 12/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 9650

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
4 Code ADN : FC45026 Nom : R MYONN Puce : 250268600347492	LOOF2021 9650	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 12/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 9650

## Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
4 Code ADN : FC45026 Nom : R MYONN Puce : 250268600347492	LOOF2021 9650	NORMAL (+/+)

*La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Elevage :** 26302  
**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie  
**Organisation :** PRO  
**Préleveur :** BECUWE Nadine (14351)

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**  
43 Rue de la Libération  
45130 CHARSONVILLE

**Date de prélèvement :** 24/06/2021

**Date de réception :** 28/06/2021

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 12/12/2020

**Sexe :** Femelle

**Remarques :** LOOF2021 9650

### GS ADN

**Date d'exécution :** 30/06/2021

Identification	Autres informations	Résultat
4 Code ADN : FC45026 Nom : R MYONN Puce : 250268600347492	LOOF2021 9650	nonb/nonb

*GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN*

*Résultat nonb/nonb : aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectées, groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 07/07/2021**

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique

