

## Certificat d'Analyse(s)

|  |                                 |
|--|---------------------------------|
| <b>Propriétaire :</b> SANCHEZ FENECH Stéphanie | <b>SANCHEZ FENECH Stéphanie</b> |
| <b>Elevage :</b>                               | 14 Rue de Josnes                |
| <b>Demandeur :</b> SANCHEZ FENECH Stéphanie    | 45190 VILLORCEAU                |
| <b>Organisation :</b> PRO                      |                                 |
| <b>Préleveur :</b> PIETRONS Stéphan (3328)     |                                 |

---

|   |   |
|---|---|
| <b>Date de prélèvement :</b> 28/10/2019 | <b>Date de réception :</b> 06/11/2019               |
| <b>Nombre de prélèvements :</b> 6       | <b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette) |
| <b>Espèce :</b> CHAT                    | <b>Race :</b> MCO - Maine Coon                      |
| <b>Date de naissance :</b> 30/04/2019   | <b>Sexe :</b> Femelle                               |

### Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 13/11/2019

| Identification  | Autres informations | Résultat     |
|---|---------------------|--------------|
| 5 Code ADN : FC25860<br>Nom : PRESTIGIEUSE DE LA MARRE BLEU<br>Puce : 250269608351429 |                     | NORMAL (+/+) |

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 19/11/2019

Olivier Yvernogean  
Technicien PCR



## Certificat d'Analyse(s)

|  |                                 |
|--|---------------------------------|
| <b>Propriétaire :</b> SANCHEZ FENECH Stéphanie | <b>SANCHEZ FENECH Stéphanie</b> |
| <b>Elevage :</b>                               | 14 Rue de Josnes                |
| <b>Demandeur :</b> SANCHEZ FENECH Stéphanie    | 45190 VILLORCEAU                |
| <b>Organisation :</b> PRO                      |                                 |
| <b>Préleveur :</b> PIETRONS Stéphan (3328)     |                                 |

---

|   |   |
|---|---|
| <b>Date de prélèvement :</b> 28/10/2019 | <b>Date de réception :</b> 06/11/2019               |
| <b>Nombre de prélèvements :</b> 6       | <b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette) |
| <b>Espèce :</b> CHAT                    | <b>Race :</b> MCO - Maine Coon                      |
| <b>Date de naissance :</b> 30/04/2019   | <b>Sexe :</b> Femelle                               |

## Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 13/11/2019

| Identification  | Autres informations | Résultat     |
|---|---------------------|--------------|
| 5 Code ADN : FC25860<br>Nom : PRESTIGIEUSE DE LA MARRE BLEU<br>Puce : 250269608351429 |                     | NORMAL (+/+) |

*La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 19/11/2019**

Olivier Yvernogean  
Technicien PCR



## Certificat d'Analyse(s)

|  |                                 |
|--|---------------------------------|
| <b>Propriétaire :</b> SANCHEZ FENECH Stéphanie | <b>SANCHEZ FENECH Stéphanie</b> |
| <b>Elevage :</b>                               | 14 Rue de Josnes                |
| <b>Demandeur :</b> SANCHEZ FENECH Stéphanie    | 45190 VILLORCEAU                |
| <b>Organisation :</b> PRO                      |                                 |
| <b>Préleveur :</b> PIETRONS Stéphan (3328)     |                                 |

---

|   |   |
|---|---|
| <b>Date de prélèvement :</b> 28/10/2019 | <b>Date de réception :</b> 06/11/2019               |
| <b>Nombre de prélèvements :</b> 6       | <b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette) |
| <b>Espèce :</b> CHAT                    | <b>Race :</b> MCO - Maine Coon                      |
| <b>Date de naissance :</b> 30/04/2019   | <b>Sexe :</b> Femelle                               |

### Spinal Muscular Atrophy (SMA)

**Date d'exécution :** 13/11/2019

| Identification  | Autres informations | Résultat     |
|---|---------------------|--------------|
| 5 Code ADN : FC25860<br>Nom : PRESTIGIEUSE DE LA MARRE BLEU<br>Puce : 250269608351429 |                     | NORMAL (+/+) |

*La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.*

*Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.*

*Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.*

*NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation*

*PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation*

*ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le 19/11/2019**

Olivier Yvernogean  
Technicien PCR



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** SANCHEZ FENECH Stéphanie

**SANCHEZ FENECH Stéphanie**

**Elevage :**

14 Rue de Josnes

**Demandeur :** SANCHEZ FENECH Stéphanie

**Organisation :** PRO

**Préleveur :** PIETRONIS Stéphan (3328)

45190 VILLORCEAU

**Date de prélèvement :** 28/10/2019

**Date de réception :** 06/11/2019

**Nombre de prélèvements :** 6

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** MCO - Maine Coon

**Date de naissance :** 30/04/2019

**Sexe :** Femelle

### GS ADN

**Date d'exécution :** 13/11/2019

| Identification   | Autres informations | Résultat |
|--|---------------------|----------|
| 5 Code ADN : FC25860<br>Nom : PRESTIGIEUSE DE LA MARRE<br>BLEU<br>Puce : 250269608351429 |                     | nonb/b   |

*GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN*

*Résultat nonb/nonb : aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés, groupe sanguin B.*

*Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.*

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
photographique intégral.*

**Fait à Loudéac, le** 19/11/2019

Olivier Yvernogean  
Technicien PCR

